

Mendoza abrió su propio laboratorio para detectar nuevas cepas de COVID 19

09/03/2022



Luego de una larga espera, **Mendoza ya cuenta con su propio laboratorio de secuenciación genómica** que funciona en el predio del Hospital Lencinas, donde actualmente está el Laboratorio de Salud Pública de la provincia y formará parte del Proyecto País (Proyecto Argentino Interinstitucional de Secuenciación Genómica).

El objetivo general de la puesta en marcha de este proyecto es **analizar la trayectoria evolutiva de las variantes del SARS-CoV-2 que circulan en Argentina para estudiar su origen y dispersión en el país, en el contexto mundial, como así**

también analizar las mutaciones que pudieran afectar el diagnóstico, la transmisión y la virulencia del virus.

Por el momento algunas provincias del país cuenta con este tipo de laboratorios, pero la idea del proyecto es que se abran nodos en todas las provincias del país.



Detalles

En la elaboración del proyecto interviene el Conicet Mendoza, ya que cuenta con los profesionales investigadores capacitados para hacer funcionar el laboratorio.

«Con mucho orgullo podemos decir que **hace tres semanas llegó a la provincia una tecnología de última generación que sirve para secuenciar ADN.** La misma llegó en el marco del Proyecto País, que es el responsable de financiar todos los nodos de secuenciación que se instalen a lo largo y ancho de toda la Argentina», contó Juan Manuel Fernandez Muñoz, bioquímico y becario doctoral del Conicet, que forma parte del proyecto.

De acuerdo con lo expresado por el especialista: **«El objetivo es hacer la vigilancia epidemiológica frente a las nuevas cepas de COVID 19 que puedan llegar a aparecer.** En su momento fue Manaos, luego Delta y hoy la predominancia la tiene Ómicron».

De este modo, la provincia ya cuenta el equipamiento necesario para realizar el seguimiento de las muestras sin necesidad de enviarlas a la Administración Nacional de Laboratorios e Institutos de Salud Dr. Carlos Malbrán y aguardar durante varios días un resultado.

«El equipo que secuencia genera grandes cantidades de datos que tienen que ser analizados por plataformas o técnicas que no son convencionales, se trata de datos extraídos de la consola de comando y todos los análisis que se efectúan se

hacen programando. Por ello es que hemos sido convocados por el Ministerio de Salud a formar parte de este grupo de trabajo para poder realizar toda la parte bioinformática que es la parte final del proceso y alcanzar así un resultado», contó Fernandez Muñoz.

Cómo funciona el laboratorio

La ventaja de contar con un laboratorio de secuenciación genómica en Mendoza es que los tiempos para analizar un resultado se acortan a 48 horas de espera.

Hasta el momento, desde que la tecnología llegó a la provincia, **se han efectuado dos pruebas, es decir, el equipo está funcionando y Mendoza ya está con la capacidad de secuenciar y determinar cuál es el tipo de cepa de COVID 19 que prima en la región.**

«La idea con esta aparatología no es sólo que se utilice con coronavirus, sino expandir su uso hacia otras aplicaciones. Obviamente, surgió por las nuevas necesidades que se generaron con la pandemia, las que tuvieron que ser resueltas de manera rápida, pero claramente este tipo de tecnología se puede usar en aplicaciones como HIV, HPV, entre otras enfermedades, sobre todo, las virales», dijo el profesional.

El laboratorio no solamente examinará las muestras del Gran Mendoza sino también las del interior de la provincia, incluso, de las provincias aledañas como San Juan o San Luis que, seguramente, en los próximos meses también cuenten con su propio polo sanitario, al menos, ese es el objetivo inicial del proyecto.

A la hora de hablar sobre el procedimiento, el bioquímico aseguró que «lo que **se secuencian son muestras que ya han sido positivas** por algunos de los dos test (PCR o antígeno) y, a partir de ahí, se determina de qué cepa se está hablando. El método no sería bien empleado para detectar positivos, sino

que se trabaja con muestras que son confirmadas positivas para ver qué cepa es la que está causando la enfermedad en la región».

«En una misma corrida se pueden analizar aproximadamente 24 pacientes de una sola vez, pero eso depende de las demandas y de las necesidades del momento. En caso de que se esté en un pico de pandemia se pueden analizar el doble de muestras en una corrida, depende del momento epidemiológico en que se esté», expresó el profesional del Conicet.

«El uso de esta tecnología sirve para determinar con nombre, apellido y huellas dactilares de qué virus estamos hablando. En las corridas que ya se hicieron en Mendoza, se detectó que todo es Ómicron, es decir, esta variante se ha impuesto por sobre las otras», anticipó.



En una misma corrida se pueden analizar 24 muestras.

Fuente; El Sol